

Amino acid transport and metabolism

- Proteobacteria (7)
- Desulfuromonadota (2)
- Desulfobacterota (18)
- Desulfobacterota_A (1)
- Bdellovibrionota (4)
- Myxococcota (8)
- Nitrospirota (5)
- Acidobacteriota (14)
- Aquificota (3)
- Campylobacterota (3)
- Deferribacterota (1)
- Dependentiae (1)
- Bacteroidota (13)
- Marinisomatota (5)
- Fibrobacterota (4)
- Gemmatimonadota (3)
- Cloacimonadota (2)
- Verrucomicrobiota (6)
- Verrucomicrobiota_A (2)
- Planctomycetota (14)
- Omnitrophota (3)
- Elusimicrobiota (6)
- Spirochaetota (10)
- Fusobacteriota (2)
- Thermotogota (2)
- Synergistota (2)
- Deinococcota (1)
- Cyanobacteria (6)
- Margulisbacteria (5)
- Actinobacteriota (15)
- Firmicutes_B (14)
- Firmicutes_C (2)
- Firmicutes_A (8)
- Firmicutes_D (6)
- Firmicutes (2)
- Firmicutes_K (2)
- Firmicutes_I (2)
- Firmicutes_E (7)
- Firmicutes_G (9)
- Firmicutes_F (2)
- Eremiobacterota (3)
- Armatimonadota (10)
- Chloroflexota (9)
- Chloroflexota_A (2)
- Dormibacterota (2)
- Patescibacteria (17)
- Patescibacteria (CPR)
- Chloroflexota
- CPR + Chloroflexota
- Terrabacteria
- DST + Terrabacteria
- Gracilicutes – Spirochaetota
- Gracilicutes + Spirochaetota
- Root 3
- Root 2
- Root 1

