

Bolile mieloproliferative cronice (altele decât leucemia mieloidă cronică) (2)

În ultimii zece ani s-au acumulat tot mai multe date care indică existența unor stadii precoce sau timpuri ale neoplasmelor mieloproliferative – NMP Ph(-), ceea ce a dus la individualizarea unor subvenții ca poliomielita vera (PV), "prodromală", "la debut" sau "pre-PV", PV mascată, trombocitemia esențială (TE), "prodromală" și mielofibroza primară (MFP) "prefibrotică" (preMFP). Recunoașterea acestor forme de boala timpuri, inițiale sau la debut, prezintă implicații practice în ceea ce privește diagnosticul, deoarece în acest stadiu diferențierea diverselor entități al NMP Ph(-) este dificilă și nu poate fi făcută în absența examenului histopatologic al măduvei osoase, care și din punctul de vedere al complicațiilor trombotice sau hemoragice care pot surveni în absența unui tablou constituit al NMP. Un exemplu în acest sens (amintit și mai sus)

rezentat un prim pas important atât pentru înțelegerea patogenezei NMP Ph(-), cât și pentru precizia diagnosticului. Se consideră astăzi că această mutație este prezentă la peste 70% din pacienți cu aceste boli, respectiv la 95% din cei cu PV, la 50% din cei cu TE și la 60% din cei cu MFP.

Genul JAK2, clonată în 1989, se află pe braul scurt al cromozomului 9, bandă 24 (fig. 6), exonul 14 și codifică o proteină, notată tot JAK2, compusă din 1.132 de aminoacizi și având funcție tirozinkinazică. Ea conține trei domenii critice (fig. 7): JH1, JH2 și FERM. JH1 este domeniul catalitic care induce fosforilarea proteinelor-linjă. Domeniul JH2 este situat din punctul de vedere al structurii cu JH1, dar funcționează ca o pseudokinază ce reglează negativ activitatea bazală a domeniului kinazic JH1 și activitatea funcțională a acestuia indusă de receptor. Do-

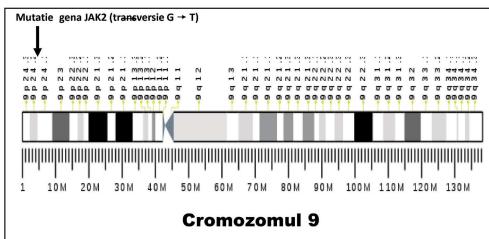


Fig. 6 – Localizarea genei mutante JAK2 pe cromozomul 9. Reprodus din Wikipedia

lă constituie tromboza recurrentă a venelor splânlănică, complicatie redutabilă care survine la 10%-50% din pacienții cu NMP Ph(-), la circa 32% din cei care prezintă mutația JAK2, jumătate din aceștia fiind rari a NMP manifestă.

Cele trei entități – PV, TE și MFP – au un mare impact în practica medicală curentă, cunoșcând importante progrese privind biologia și tratamentul. Se suprapun adesea ca tablo clinic, molecular și cito-histomorfologic, realizând aspecte intricate și putând trece dintr-o altă sau/si având totale potențial de transformare în LAM. Ele sunt prezente în literatura de specialitate și în practica medicală curentă ca boli separate, beneficiind de coduri de identificare pentru înregistraminte diferențiată; astfel vor fi tratate și în cele ce urmează. Mai trebuie spus că, și des în aceste boli se întâlnesc tromboze în măduve osoase și în săngere periferic cu aspecte de tip „leuemic”, ele nu fac parte din grupa leucemioanelor.

In România există posibilități determinante mutațiilor JAK2V617F exon 14 și 12 și a investigației histopatologice a măduvei osoase fie în centrele de hematologie universitare, fie în laboratoare private.

Bazele moleculare ale patogenezei NMP

NMP Ph(-) își au originea într-o mutație survenită la nivelul genoului unei singure celule stem hematopoietice multiplamente care ducă la producerea în exces a celulelor uneia sau mai multor linii sanguine. Leziunile moleculare primare responsabile pentru apariția NMP Ph(-) sunt încrengături, dar în ultimii 15 ani s-au făcut progrese semnificative în cunostea patogenezei moleculare a acestor boli. În 2005, descoperirea mutației somatice dobândite recurențe JAK2V617F a repre-

zentat un moment deosebit de semnalatorie a gena JAK2 la nivelul receptorului pentru citokine (explicație în text). Reprodus din Chen L și Mullaly A, 2014

meniul FERM are funcția de transmitere a semnalelor de la gena JAK2 la diferenție sediile celulei. Proteina JAK2 are un rol fundamental în hematopoia, deși nu are funcție de receptor pentru citokine. Ea se află situată în apropierea acestor receptorii pe suprafață membrană celulară și are un rol-cheie în intermedierea semnalelor de la receptor la căile leucemice.

În condiții normale, proteina JAK2 se află într-o conformație inactivă datorată efectului inhibitor al JH2 asupra JH1. În urma legării de ligandul specific (de exemplu, eritropoetina sau trombopoetina), receptorii suferă o serie de modificări conformatiionale care determină activarea proteinei JAK2, asociată receptorului, și fosforilarea unor resturi de tirozină din compartimentul intracellular aferent acestuia. Astfel este activată o serie de căi eficiente, precum ST (Signal Transducer and Activator of Transcription proteins), MAPK (mitogen-activated protein kinases) și PI3K/AKT. Există o două domenii similare, dar cu acțiuni opuse – de activare și de inhibare – în structura aceleiași proteine cu funcție tirozinkinazică, a determinat și denumirea

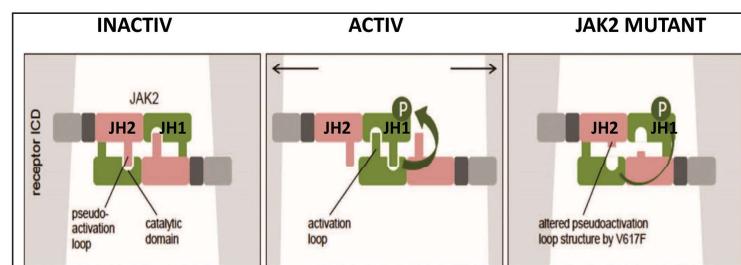


Fig. 8 – Model al mecanismului de activare „prin alunecare” a proteinei JAK2 la nivelul receptorului pentru citokine (explicație în text). Reprodus din Chen L și Mullaly A, 2014

Mutația genei JAK2 se produce la nivelul exonului 14, codonul 617, și determină substituția aminoacidului valină cu fenilalanină, de unde și abrevierea (V617F). Codonul 617 corespunde părții care codifică domeniul JH2 și mutația de la acest nivel determină sinteza unei proteine modificate. În proteină JAK2 codificată de gena mutată, interacția dintre domeniul JH2 și JH1 este întreruptă în urma unor modificări sterice (conform unui model ilustrat în

fig. 8), iar depășirea a două molecule de JAK2, care sunt dimerizate, astfel incăd domeniile kinezice ajung în poziție, facilitându-se astfel fosforilarea unor resturi de tirozină (centru). Proteina codificată de gena mutată are acțiunea kinazică a domeniului JH1 mai puțin suprasărată, datorită stabilității scăzute a interacțiunii JH2-JAK1. JAK2 hiperfuncțională mediază activarea în exces a unor căi intracelulare effectorii atât STAT-dependente, cât și STAT-inde-

pendente. În acest fel, celulele stem hematopoietice care poartă gena JAK2 mutantă devin hiperSensitive la acțiunea citokinelor cu funcție de factori de creștere (eritropoetina, trombopoetina, factorul de creștere al celulelor stem, factorul de creștere insulin-like, factorul stimulator al coloniilor granulozofo-

lor) și sunt în stare să exprime genul CALR

ce hiperactivarea căi JAK/STAT. Mutatiile genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP, de regulă la aceia JAK2 (V617F)-negativi (excludând mutația a celor două anomalii moleculare). O schematică ilustrândă patogeneza moleculară a NMP Ph(-) este prezentată în fig. 9.

Pe baza acestor achiziții de biologie moleculară, MPN Ph(-) au fost împărțite în trei categorii: cea caracterizată prin prezența mutației JAK2 (V617F) (cca 70%

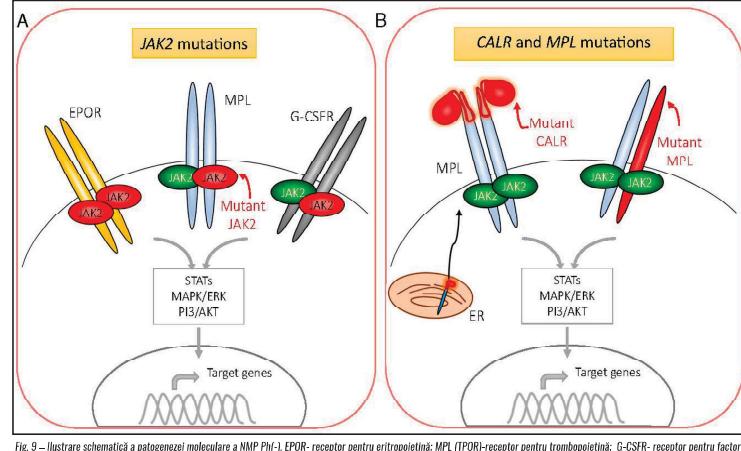


Fig. 7, iar acțiunea inhibitorie a domeniului JH2 este diminuată, astfel încât funcția tirozinkinazică a JH1 „scăpată de sub control” devine hiperactivă. Un model de funcționare a proteinei JAK2 nativă și mutantă este

pendente. În acest fel, celulele stem hematopoietice care poartă gena JAK2 mutantă devin hiperSensitive la acțiunea citokinelor cu funcție de factori de creștere (eritropoetina, trombopoetina, factorul de creștere al celulelor stem, factorul de creștere insulin-like, factorul stimulator al coloniilor granulozofo-

lor) și sunt în stare să exprime genul CALR

pe care îl exprimă. În contrast cu mutația „driver”

prezentă mai sus, care sunt absente sau rare în alte boli maligne mieloidice, în NMP Ph(-) s-au descris mutații adjonționale (ASXL1, TET2 și altele) care au fost evidențiate prin tehnici de nouă generație de analiză sevențială a exomului. Ele au fost numite mutații „pasageră” (în contrast cu cele „driver” cu care se asociază) și sunt întâlnite mai frecvent în MFP, fiind asociate mai degrabă cu progresia boli. Ele se întâlnesc frecvent în sindromul mielodisplastic și în leucemii acute.

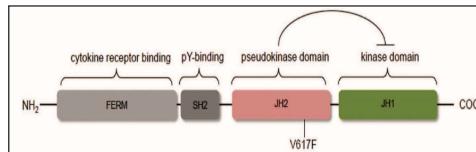


Fig. 7 – Structura proteinei JAK2. Este marcat locul mutației V617F. Reprodus din Chen L și Mullaly A, 2014

ilustrat în fig. 8. Conform acestuia, interacțiunile moleculare dintre domeniile JH2 și JH1 mențin proteină JAK2 în stare inactivă. Legarea a ligand la receptorul este urmă-

pendente. În acest fel, celulele stem hematopoietice care poartă gena JAK2 mutantă devin hiperSensitive la acțiunea citokinelor cu funcție de factori de creștere (eritropoetina, trombopoetina, factorul de creștere al celulelor stem, factorul de creștere insulin-like, factorul stimulator al coloniilor granulozo-

lor) și sunt în stare să exprime genul CALR

ce hiperactivarea căi JAK/STAT. Mutatiile genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracterizată prin prezența mutațiilor

genei CALR se întâlnesc la 20%-55% din pacienții cu TE și MFP; cea caracteriz