

Supplemental Fig. 1

Predicted amino acid sequences of longest *sericin-1* isoforms (MSTRG.2477.1.p1).

Glycine, asparagine, and threonine residues are colored in red. The region of exon 7 is underlined.

MRFVLCCTLIALAALSVKAFGHHPGNRDTVEVKNRKYNAASSESSYLNKDNDNISAG AHR
AKSVEQSQDKSKYTSGPEGVSYSGRSQNYKDSKQAYADYHSDPNGGSASAGQSRDSSLRE
RNVHYVSDGEAVAASSDARDENRSAQQNAQANWNADGSYGVSA DRSGSASSRRRQANYYS
DKDITAASKDDSRADSSRRSNAYYNRDSDGESAGLSDRRASSSKNDNVFVYRTKDSIGG
QAKSSRSSHSQESDAYYNSSPDGSYNAGTRDSSISNKKKASSTIYADKDQIRAAANDRYSS
KQLKQSSAQISSGPEGTSVSSKDRQYSNDKRSKSDAYVGRDGT VAYSNKDSEKTSRQSNT
NYADQNSVRSDSAASDQTSNSYDKGYSDKNTVAHSSGSRGSQ NQKSSSYRADKDGFSST
NTEKSRFSSSNVSVETSDGTSASRESSAEDTKSSNSNVQSDETGEEEEELFDVVS YQKIED
GKPVIIIMKVIPVEKSASQSSSSSRSSQESASYSSSSSSSSSPRPLSIW TGPGRDIPFFRRKY
SGARSVPKPIPIPIQSKGSTERPQPTGHRSAEESSSSSSRAASST DASSNTDSNSNSAGS
STSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVST
TGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGS
STYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDET VSTT DSSSN
TDSNSNSVETRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSS
SNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSN
SV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG
SVSTTGSSSYTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRK
SGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTG
SSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSNSVESKKS GGSSS
HEDSSKSRDGSVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTD
SNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSISNSV GSRKSGGSSSHEDSSK
SRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSYTDSNSNSA
GSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDENV
STTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSYTDSNSNSAGSSTSG
GSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSS
SNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGY
SSNSRDG SVSTTGSSSYTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDESVSTTGSSSNTDSN
SNSV GSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSR
DGSVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV G
RKSGGSSSHEDSSKSRDGSVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG SVSS
TGSSSYTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDG SVSTTGSSSNTDSNSNSV GSRKSDGS

SSHEDSSKSRDENVSTTDSSTNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSN
TDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSS
SNSRDGGVSSTGSSSYTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSHDGSVSSTGSSSNTDSNSN
SVGSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDG
SVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSYTDSNSNSAGSST
SGGSSTYGYSSNSRDESVSSTGSSSNTDSNSNSVSGSRKSGGSSSHEDSSKSRDENVSTTG
SSSNTDSNSNSAGSRTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSST
YGYSSNSRDESVSSTGSSSNTDSNSNSVSGSRKSDGSSSHEDSSKSRDESVSTTGSSSNTD
SNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSGDGSVSSTGSSSNTESNSNSEGSRISGGGSSTYGYSSN
SRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDESVSSTGSSSNTDSNSNSV
GSRKSDGSSSHEDSSKSRDENVSTTGSSSNTDSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSGDGSV
SSTTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSG
GSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGSSNTHGASHGLASSGGSIASAT
STPDILTIALSEDSSEVDIDLGNLGWWWNSDNKAQRAAGGATKSEASSSTQATTVSGADD
SADSYTWWWNPRRSSSSSSSSASSSSSGSNVGGSSQSSGSSTSGSNARGHLGTVSSTGSTS
NTDSSSKSAGSRTSGGSSTYGYSSSHRGGSVSSTGSSSNTDSSTKNAGSSTSGGSSTYGY
SSSHRGGSVSSTGSSSNTDSSTKNAGSSTSGGSSTYGYSSSHRGGSVSSTGSSSNTDSST
KSAGSSTSGGSSTYGYSSRHRGGRVSSTGSSSTTDASSNSVGSSTSGGSSTYGYSSNSRD
GSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDSNSNSAGSS
TSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNTDASTDLTGSSSTSGGSSTYGYSSDSRDGSVSS
GSSSNTDASTDLAGSSTSGGSSTYGYSSDCGDGSVSSTGSSSNTDASTDLAGSSTSGGS
TYGYSSDSRDGSVSSTGSSSNTDASTDLAGSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVSSTGSSSNT
DASTDLTGSSSTSGGSSTYGYSSNSRDGSVLATGSSSNTDASTTEESTTSAGSSTEGYSSS
SHDGSVTSTDGSSSTGGASSSSASTAKSDAASSEDGFWWWNRRKSGSGHKSATVQSSTTD
KTSTDSASSTDSTSTSGASTTTGSSSTSGGSSTSDASSTSSSVSRSHRSGVNRLHHP
GQKICLCFENIFDIPYHLRKNIGV*