|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Gene** | **Sequence** | **Position** |
| Lrp5-prox | GGCTCCatgGGGTTC |  |
| Lrp5 | GGGTCActcTCATTC |  |
| CaBP 9K | GGGTGTcggAAGCCC | -488 |
| KSR-1 VDRE | GGTGCAcggAGGTCA |  |
| osteopontin | GGGTCGtatGGTTCA | -1892 |
| carbonic anhydrase II | AGGGCAtggAGTTCG |  |
| RANKL1 | TGAACTcagACAACC | \_100kb |
| RANK1-2 | ACAACTtggTGACTT | -100kb |
| rankl2 | GGGTCAgcaAGGGCT | -25kb |
| rankl3 | GGTTCAtgaAGTTCT | -20kb |
| Insulin Receptor | GGGTCA(.)(.)GGGGGCA | -486 |
| MIS | GGGTGAgcaGGGACA | -395 |
| osteocalcin | GGGTGAacgGGGGCA | -499 |
| CYP24A1prox | AGGTGAgcgAGGGCG | -169 |
| CYP24A1-distal | AGTTCAccgGGTGTG | -291 |
| IGFBP-3 | GGTTCAccgGGTGCA | -3296 |
| PTH | GGTTCAaagCAGACA | -113 |
| KSR-1/2 | AATGGAatgCAGACA |  |
| hPTH | TCAACTATAGGTTCA | -121 |
| RelB | CGGTCAGGCTGGTCT | -799 |
| RelB2 | GGTTCAAGTCCCACT | -443 |
| hTRPV66 | AGGTCA ttt AGTTCA | -1270 |
| hTRPV66 | GGGTCA gtg GGTTCG | -2100 |
| hTRPV66 | AGGTCT tgg GGTTCA | -2155 |
| hNpt2c9 | AGGTCA gag GGTTCA | -556 |
| hCYP3A420,58 | TGAACT caaagg AGGTCA | -169 |
| hCYP3A41 | GGGTCA gca AGTTCA | -7.7 kb |
| hp2159 | AGGGAG att GGTTCA | -765 |
| hFOXO160 | GGGTCA cca AGGTGA | -2856 |
| hWise\* | AGGACA gca GGGACA | -6214 |